



TITLE:

Bioinformatics Training

AUTHOR(S):

チヨウ, ルイシャン

CITATION:

チヨウ, ルイシャン. Bioinformatics Training. 京都大学化学研究所スーパーコンピュータシステム研究成果報告書 2020, 2019: 27-27

ISSUE DATE:

2020-03

URL:

<http://hdl.handle.net/2433/251107>

RIGHT:

令和 元年度 京都大学化学研究所 スーパーコンピュータシステム 利用報告書

バイオインフォマティクス実習
Bioinformatics Training

京都大学理学研究科 生物科学専攻 生物物理学系 理論分子生物学分科 緒方研究室
チョウ ルイシヤン

研究成果概要

In this year, I finished exercise of transcriptome analysis on Mimivirus and also did analysis on Medusavirus transcriptome by using the Supercomputer system in Kyoto university. I mainly did research on basic process which includes quality control, reads alignment and counting, clustering viral genes by K-means and motif finding. In the future, I will keep doing the analysis of Medusavirus transcriptome.